

SEQ ID NO:21	MRSSCCSSAIGGFFDHRRELSTSTPISTLLPLPSTKSSFSVRCSLPQPSKPRSGTSSVHA	
SEQ ID NO:12	-----	
SEQ ID NO:14	-----PAPRNGK-----LRAANNSATPIAKVE-	
SEQ ID NO:22	-----K-----Q-	
SEQ ID NO:16	MARVFESDSGSG-----CS-----	
SEQ ID NO:18	MAKAAEQSPDSG-----	

	1	60

SEQ ID NO:21	VMTLAGSLTGKKRVDESESLTLEGIRNSLIRQEDSIIFGLLERAQFCYNADTYDPTAF-D	
SEQ ID NO:12	-----RVDRSDLTLDISIRQVLIRLEDSSIIFGLLERAQFCYNADTYDSNAF-H	
SEQ ID NO:14	-----RIDQSEILTDNIRTSLVRQEDSIIFSLLEAQAFCYNADIYDKNAF-H	
SEQ ID NO:22	-----NVLSLDLIRESLIRQEDTIVFSLIERAKFPLNSPAFEESRCLD	
SEQ ID NO:16	-----NVYTLASVREDLVRQEDTIIYGLIERAKFSPNSHTYDE-KYAAQ	
SEQ ID NO:18	-----	
	61	120

	* * * * *	
SEQ ID NO:21	MDGFNGSLVEYVMVKGTEKLHAKVGRFKSPDEHPFFPDDDLPEPMLPPLQYPKVLHFAADSI	
SEQ ID NO:12	MDGFGGSLVEYIVRETEKLHAQVGRYKSPDEHPFFFSKDLPEPRLPPMQYPRVLHPIADSI	
SEQ ID NO:14	VDGFDGSLVEFMVRETEKLHQQVGRYKSPDEHPFFPEDLPEPLPPLQYPKVLHPIADSI	
SEQ ID NO:22	SGSF-SSLTEFFVRETEIIQAKVGRYEYEEENPFFLENI PHSVFPTHKYPSALHPKALSV	
SEQ ID NO:16	IQGFCGSLVEFVVKNTETAIQAKAGRYKNPEENAFFPENLPPSIVPSYSFKQFLHPGAASI	
SEQ ID NO:18	-----ARAEFFVREAEVLHAKAGHYQKPEDVPFFSQDLPFPVPTKGRPKVLHPFASLV	
	121	180

FIG. 1A

```

*   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *
SEQ ID NO:21  NINKKIWNMYFRDLVPRLVKKGDDGNYGSTAVCDACLQCLSKRIHYGKFVAEAKFQASP
SEQ ID NO:12  NINKEIWKMYFDELLPRLVKEGSDGNAGSSALCDTTCLQALSRRRIHYGKFVAEAKFQESP
SEQ ID NO:14  NINKEIWKMYFDELLPRLVKEGSDGNYGSSALCDTICLQALSRIHYGKFVAEAKFQESP
SEQ ID NO:22  NINKQIWDIYFKELLPLFVKPGDDGNYPTAASDLACLQALSRRRIHYGKFVAEVKFRDAP
SEQ ID NO:16  NINKSIWKMYFKELLPLLATSGDDGNYAQTAANDLSLLQSISSRIHYGKFVAEVKFRDAP
SEQ ID NO:18  CVNDAIWKMYFNELLPLFTADGDDGNYAETVALDFACLQALSRRRIHCGKYVAEVKFKDAP

```

240

181

```

*   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *
SEQ ID NO:21  EAYESAIIKAQDKDRLMDMLTFTPTVEDAIKKRVEMKTRTYGQEVKVGMEKEEEEEEGNES
SEQ ID NO:12  EAYTPAIIAQDRDQLMNLTYETVERAIEHRVEAKAKIFGQEVNIG-----AKDNGSP
SEQ ID NO:14  EAYMPAIIAQDCDQLMHLTYETVERAIEHRVEAKAKIFGQEVNIG-----AEDNGAP
SEQ ID NO:22  QDYEPAIRAQDREALMKLLTTFEKVEMVKKRVQKKAETFGQEVKF--NSGYGDES----K
SEQ ID NO:16  QDYEPLIRAKDKEGLMKLLTFTSVEETVRKRVKKAETFGQEVNLF--NSDDNDNE----N
SEQ ID NO:18  QDYSPPIRAKDTNALMNLTLTFTAVEEKVKRVEKKARIFGQNVTL--EDSVGKQDGDACD

```

300

241

```

*   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *   *
SEQ ID NO:21  HVYKISPILVGDLYGDWIMPLTKEVQVEYLLRRLD
SEQ ID NO:12  PVYKIRPSLVAELYSYRIMPLTKVEVEVAYLLKRLD
SEQ ID NO:14  PMYKIRPSLVAELYSYRIMPLTKEVQVAYLLRRLD
SEQ ID NO:22  KKYKVDPLLASRIYGEWLIPLTKLVEVEYLLRRLD
SEQ ID NO:16  RKF--DPSVASSLYKNWVIPLTKEVQVEYLLRRLD
SEQ ID NO:18  SHCKVDPKVLSKLYDMVMVIMPLTKDVEVEYLLRRLD

```

335

301

Fig. 1B